

Lista 1 - MC458 - Gabarito

Tema: Divisão e Conquista

1. Busca Binária

a) Pseudocódigo:

```
BUSCA_BINARIA(A, i, j, x)
    se i > j
        retornar -1
    m <- (i + j) / 2
    se A[m] == x
        retornar m
    se A[m] > x
        retornar BUSCA_BINARIA(A, i, m - 1, x)
    senão
        retornar BUSCA_BINARIA(A, m + 1, j, x)
```

b) Complexidade:

Seja $n = j - i + 1$. A cada iteração $n \leftarrow \frac{n}{2}$.

$$\frac{n}{2^k} \leq 1 \quad (\text{seja } k = \text{n}^\circ \text{ de operações no pior caso})$$

$$2^k \geq n$$

$$\log_2 2^k \geq \log_2 n$$

$$k \geq \log_2 n$$

logo a complexidade é $\Theta(\log n)$

2. Merge Sort

Algoritmo 1: MergeSort

Entrada: Um arranjo com n

Saída: Um arranjo com os mesmos números ordenados

1 se $n \geq 2$ então

2 A = Recursivamente ordenar a primeira metade do arranjo de entrada;

3 B = Recursivamente ordenar a segunda metade do arranjo de entrada;

4 C = Intercalar (Merge) as duas partes ordenadas A e B em uma;

5 devolva C ;

Algoritmo 2: Merge

Entrada: A e B arranjos ordenados com $m/2$

Saída: Arranjo C de tamanho m com os mesmos elementos de A e B mas ordenados

```

1  $i = 1$ ;
2  $j = 1$ ;
3 para  $k$  de 1 até  $m$  faça
4   se  $A[i] < B[j]$  então
5      $C[k] = A[i]$ ;
6      $i++$ ;
7   senão
8      $C[k] = B[j]$ ;
9      $j++$ ;
10 devolva  $C$ ;

```

a) **Prova de corretude:**

obs: Talvez esse item seja mais interessante ao avançar um pouco mais no conteúdo, caso ainda não esteja familiarizado com o conceito de invariante de laço, não se preocupe, deveria ter colocado essa questão em listas futuras (PAD).

Uma **invariante de laço** é uma propriedade utilizada para provar corretudes de laços, a qual está associada a determinada posição de um laço e é satisfeita toda execução do laço. Sendo assim, utilizaremos esse conceito para provar por indução a corretude do algoritmo **Merge**.

I) Provando a função Merge:

Invariante de laço: No início da iteração k (linha 3), o subarranjo $C[1 \dots k - 1]$ contém os $k - 1$ menores elementos combinados de A e B de forma ordenada. Além disso, $A[i]$ e $B[j]$ são os menores elementos de A e B que ainda não foram copiados para C .

Caso Base ($k = 1$): O arranjo $C[1 \dots 0]$ está vazio, cumprindo a condição de estar ordenado e conter zero elementos. $A[1]$ e $B[1]$ são os menores de seus respectivos arranjos (que já são recebidos ordenados).

Passo Indutivo: Assuma que a invariante vale no início da iteração k . Na linha 4, comparamos $A[i]$ e $B[j]$. Como ambos são os menores disponíveis de suas respectivas metades, o menor entre eles é garantidamente o menor elemento global restante.

- Se $A[i] < B[j]$, $A[i]$ é inserido em $C[k]$ e i é incrementado. $C[1 \dots k]$ agora contém os k menores elementos ordenados.
- Se $B[j] \leq A[i]$, $B[j]$ é inserido e j é incrementado, mantendo a mesma lógica.

Ao final da iteração, a invariante é preservada para o passo $k + 1$.

Término: O laço encerra quando $k = m + 1$. O arranjo C conterà todos os m elementos de A e B ordenados.

II) Provando a função MergeSort:

Por indução forte sobre o tamanho n do arranjo. Queremos provar que o algoritmo ordena qualquer vetor de tamanho n .

Caso Base ($n = 1$): A condição $n \geq 2$ falha. Um arranjo de um único elemento já está trivialmente ordenado.

Passo Indutivo: Assuma que o algoritmo ordena perfeitamente qualquer arranjo de tamanho $< n$. Para um arranjo de tamanho $n \geq 2$, o algoritmo o divide em duas partes e as processa recursivamente. Pela hipótese indutiva, as chamadas devolvem A e B totalmente ordenados. Em seguida, **Merge** é invocado. Como provado na etapa anterior que **Merge** funde dois arranjos ordenados em um único ordenado, o arranjo resultante C estará correto.

b) Complexidade e Árvore de Recursão:

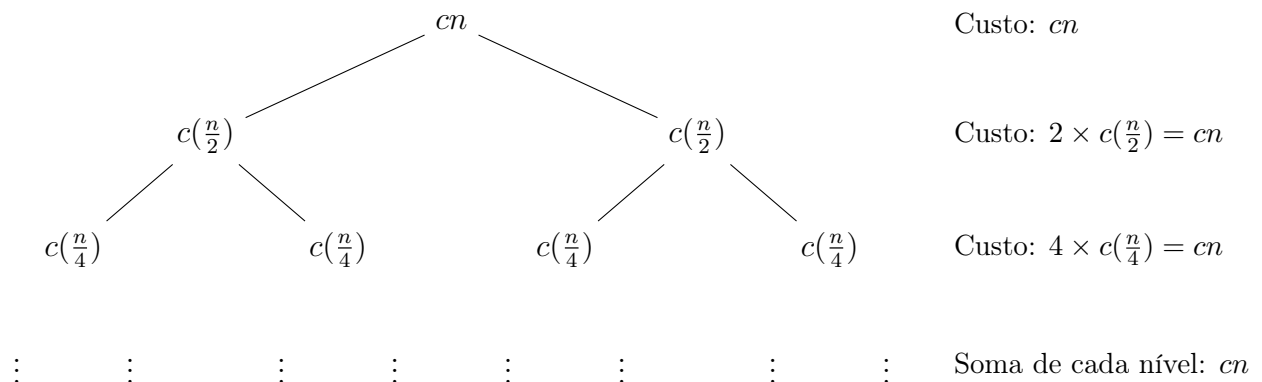
Para determinarmos a equação de recorrência $T(n)$, que representa o tempo de execução do **MergeSort** para um arranjo de tamanho n , analisamos os custos individuais do Algoritmo 1:

- **Divisão:** O algoritmo divide o problema conceitualmente ao meio. O custo para calcular o meio (ou lidar com os índices) é constante, ou seja, $O(1)$.
- **Conquista (Chamadas Recursivas):** O algoritmo realiza duas chamadas recursivas (linhas 2 e 3) para ordenar as metades. Como cada metade tem tamanho $n/2$, o custo exato dessas chamadas é $2T(n/2)$.
- **Combinação (Merge):** A função **Merge** (Algoritmo 2) itera sobre os elementos para fundi-los. O laço **para** da linha 3 executa m vezes (onde $m = n$ na junção completa). Como as operações internas (comparações e atribuições) levam tempo constante c , o custo total de intercalação é linear: cn .

Somando essas etapas, chegamos à equação de recorrência formal:

$$T(n) = 2T(n/2) + cn$$

Abaixo, a representação visual da árvore de expansão da recorrência detalhando o custo por nível:



A árvore continua a se ramificar dividindo o tamanho do arranjo pela metade até atingir o caso base, onde o subproblema tem tamanho 1. A profundidade máxima da árvore é alcançada quando:

$$\frac{n}{2^h} = 1 \implies h = \log_2 n$$

A árvore possui altura $\log_2 n$. Como cada nível realiza um trabalho total exatamente igual a cn , e existem $\log_2 n + 1$ níveis no total (contabilizando o nível 0 da raiz), o custo total de execução é a soma de todos os níveis:

$$T(n) = \sum_{i=0}^{\log_2 n} cn = cn(\log_2 n + 1) = cn \log_2 n + cn$$

Descartando as constantes e os termos de menor grau para a análise assintótica, concluímos que o tempo de execução é $O(n \log n)$.

3. Soma do Subarranjo Máximo (Maximum Subarray Sum)

O Problema: Dado um arranjo de n números inteiros, encontre o subarranjo contíguo cuja soma dos elementos seja máxima.

a) Ideia e Pseudocódigo:

Ideia geral: Pela estratégia de divisão e conquista, dividimos o arranjo ao meio. O subarranjo de soma máxima só pode estar em um de três lugares: totalmente na metade esquerda, totalmente na metade direita, ou cruzando o ponto médio. Resolvemos recursivamente para as metades e, para o cruzamento, expandimos linearmente a partir do centro. O resultado será o máximo entre essas três opções.

Algoritmo 1: MaxCruzamento

Entrada: Arranjo A , índices baixo, meio e alto

```

1 soma_esq =  $-\infty$ ; soma_atual = 0;
2 para  $i$  de meio descendo até baixo faça
3   soma_atual = soma_atual +  $A[i]$ ;
4   se soma_atual > soma_esq então soma_esq = soma_atual;
5 soma_dir =  $-\infty$ ; soma_atual = 0;
6 para  $j$  de meio + 1 até alto faça
7   soma_atual = soma_atual +  $A[j]$ ;
8   se soma_atual > soma_dir então soma_dir = soma_atual;
9 devolva (soma_esq + soma_dir);
```

Algoritmo 2: SubarranjoMaximo

Entrada: Arranjo A , índices baixo e alto

```

1 se baixo == alto então
2   devolva  $A[\text{baixo}]$ ;
3 meio =  $\lfloor (\text{baixo} + \text{alto}) / 2 \rfloor$ ;
4 esq = SubarranjoMaximo( $A$ , baixo, meio);
5 dir = SubarranjoMaximo( $A$ , meio + 1, alto);
6 cruz = MaxCruzamento( $A$ , baixo, meio, alto);
7 devolva max(esq, dir, cruz);
```

b) Prova de corretude:

Utilizaremos indução forte sobre o tamanho do arranjo n para provar que o algoritmo é capaz de encontrar a soma do subarranjo máximo.

Caso base ($n = 1$): A linha 1 do Algoritmo 2 é acionada (quando `baixo == alto`) e retorna o único elemento. Como o único subarranjo contíguo possível é o próprio elemento, a sua soma é o valor máximo. A base é válida.

Passo indutivo: Assuma que o algoritmo resolve corretamente o problema para qualquer arranjo de tamanho $k < n$. Para um arranjo de tamanho $n > 1$, o subarranjo contíguo de soma máxima deve pertencer a exatamente um dos três casos:

- i. Estar inteiramente contido na metade esquerda (índices $\leq \text{meio}$).
- ii. Estar inteiramente contido na metade direita (índices $> \text{meio}$).
- iii. Cruzar o ponto médio (inicia na metade esquerda e termina na metade direita).

Analisando os casos 1 e 2: A divisão na linha 3 garante que o problema foi quebrado em subarranjos estritamente menores. Pela hipótese indutiva, as chamadas recursivas nas linhas 4 (`esq`) e 5 (`dir`) retornam corretamente a soma máxima para os cenários onde o subarranjo não cruza a fronteira.

Analisando o caso 3 (Corretude da função `MaxCruzamento`): Qualquer subarranjo contíguo que cruza o ponto médio **obrigatoriamente** precisa incluir os elementos vizinhos $A[\text{meio}]$ e $A[\text{meio} + 1]$. Podemos quebrar esse subarranjo em duas partes: um sufixo da metade esquerda $A[i \dots \text{meio}]$ e um prefixo da metade direita $A[\text{meio} + 1 \dots j]$.

No Algoritmo 1, o primeiro laço (linhas 2-4) fixa uma "âncora" no índice `meio` e itera para a esquerda até o índice `baixo`. Ele testa todos os comprimentos possíveis de forma exaustiva e salva o maior resultado em `soma_esq`. O segundo laço (linhas 6-8) faz o processo simétrico: fixa uma âncora em `meio+1` e cresce iterativamente para a direita até o índice `alto`, salvando o máximo em `soma_dir`.

Como as duas metades procuradas são adjacentes e independentes (a escolha de i não afeta a escolha de j), a soma `soma_esq + soma_dir` (linha 9) corresponde matematicamente ao subarranjo ótimo que passa pela fronteira.

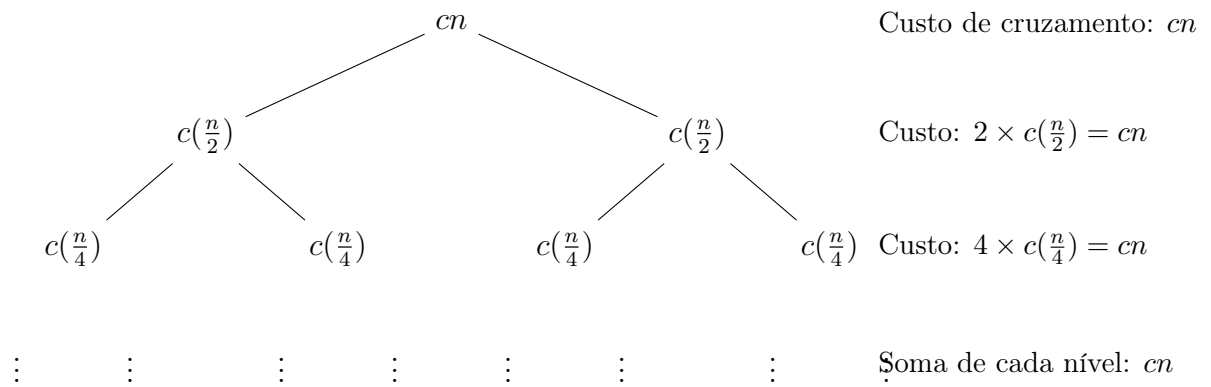
Conclusão: Como o algoritmo testa corretamente todas as três únicas localizações possíveis para a resposta e a linha 7 retorna o valor máximo (`max`) entre as três, fica provado exaustivamente que o algoritmo sempre retornará a soma do subarranjo máximo global.

c) **Complexidade e Árvore de Recursão:**

A divisão calcula o ponto médio em $O(1)$. A função `SubarranjoMaximo` realiza duas chamadas recursivas de tamanho $n/2$, custando $2T(n/2)$. A função `MaxCruzamento` itera do centro para as bordas cobrindo os n elementos no total, custando cn (tempo linear). A relação de recorrência é idêntica à do Merge Sort:

$$T(n) = 2T(n/2) + cn$$

Abaixo, a representação da árvore de recursão para este custo:



A árvore de recursão divide o problema por 2 a cada nível, atingindo o caso base ($n/2^h = 1$) na profundidade $h = \log_2 n$. Como temos $\log_2 n + 1$ níveis (contando a raiz) e o trabalho total executado por todos os nós em qualquer nível é sempre cn , o custo somado é:

$$T(n) = \sum_{i=0}^{\log_2 n} cn = cn(\log_2 n + 1) \implies O(n \log n)$$

4. Exponenciação Rápida

O Problema: Calcular x^n (onde x é um número real e n é um inteiro não negativo) de forma eficiente.

a) Pseudocódigo:

Algoritmo 3: ExpRapida

Entrada: Base x (real), expoente n (inteiro não negativo)

Saída: x^n calculado de forma eficiente

```

1 se  $n == 0$  então
2   devolva 1;
3 se  $n \bmod 2 == 0$  então // Se o expoente for par
4    $y = \text{ExpRapida}(x, n/2)$ ;
5   devolva  $y \times y$ ;
6 senão // Se o expoente for ímpar
7    $y = \text{ExpRapida}(x, (n-1)/2)$ ;
8   devolva  $x \times y \times y$ ;
```

b) Complexidade e Árvore de Recursão:

Diferente dos algoritmos anteriores, este realiza **apenas uma** chamada recursiva por nível, dividindo o tamanho do expoente n pela metade. As operações locais em cada chamada (verificar paridade, divisões por 2 e multiplicações) ocorrem em tempo constante, que denotaremos por c .

A equação de recorrência formaliza-se como:

$$T(n) = T(n/2) + c$$

Desenhando a árvore de recursão, percebemos que ela não se ramifica, degenerando em um único caminho linear do topo até a base:

c	Subproblema de tamanho $n \rightarrow$ Custo: c
$ $	
c	Subproblema de tamanho $n/2 \rightarrow$ Custo: c
$ $	
c	Subproblema de tamanho $n/4 \rightarrow$ Custo: c
$ $	
$\vdots$	Caso base de tamanho 1 $\rightarrow$ Custo: c

A árvore continua sendo dividida por 2 até atingir o caso base (onde $n = 0$ ou $n = 1$). A altura máxima h da árvore é encontrada pela relação $\frac{n}{2^h} = 1 \implies h = \log_2 n$.

Como a árvore possui $\log_2 n + 1$ níveis no total (incluindo o nível 0) e o custo de trabalho em **cada nível inteiro** é apenas a constante c , o custo total de execução é a soma de c ao longo de toda a altura da árvore:

$$T(n) = \sum_{i=0}^{\log_2 n} c = c(\log_2 n + 1) = c \log_2 n + c$$

Descartando as constantes para a análise assintótica, demonstramos que a complexidade de tempo é estritamente $O(\log n)$.

5. Encontrar um Pico (Peak Finding 1D)

O Problema: Dado um arranjo $A[1..n]$ de números inteiros onde elementos adjacentes são estritamente diferentes ($A[i] \neq A[i + 1]$), dizemos que um elemento $A[i]$ é um “pico” se ele for estritamente maior que seus vizinhos imediatos. Para as bordas, $A[1]$ é pico se $A[1] > A[2]$, e $A[n]$ é pico se $A[n] > A[n - 1]$. O vetor não está ordenado e pode haver múltiplos picos. O objetivo é encontrar **qualquer um** dos picos acessando o menor número possível de elementos.

a) Ideia e Pseudocódigo:

Ideia geral: A estratégia é similar à da Busca Binária. Avaliamos o elemento central do subarranjo. Se ele não for um pico, obrigatoriamente um de seus vizinhos é maior, formando uma "subida"(encosta). Como o vetor é finito, se continuarmos descartando a metade "menor" e seguindo na direção da subida, garantidamente encontraremos um pico (seja no meio do caminho ou em uma das bordas do arranjo).

Algoritmo 4: EncontrarPico

Entrada: Arranjo A , índices baixo e alto

Saída: Índice de um elemento que é um pico local

```

1  $m = \lfloor (\text{baixo} + \text{alto})/2 \rfloor$ ;
2 se  $(m > \text{baixo})$  E  $(A[m - 1] > A[m])$  então
3   devolva EncontrarPico( $A$ , baixo,  $m - 1$ );
4 senão se  $(m < \text{alto})$  E  $(A[m + 1] > A[m])$  então
5   devolva EncontrarPico( $A$ ,  $m + 1$ , alto);
6 senão
7   devolva  $m$ ;
```

b) Complexidade e Árvore de Recursão:

Em cada chamada da função **EncontrarPico**, calculamos o meio e realizamos um

número constante de verificações lógicas e acessos ao arranjo. Isso custa $O(1)$, que chamaremos de c . Independentemente de qual condição seja satisfeita no **se/senão**, o algoritmo faz, no máximo, **uma** única chamada recursiva para a metade do arranjo atual.

Portanto, a equação de recorrência é idêntica à da Exponenciação Rápida:

$$T(n) = T(n/2) + c$$

A representação em formato de árvore também é linear, sem ramificações horizontais, pois resolvemos apenas um subproblema por vez:

$$\begin{array}{ll} c & \text{Tamanho } n \rightarrow \text{Custo na ativação: } c \\ | & \\ c & \text{Tamanho } n/2 \rightarrow \text{Custo na ativação: } c \\ | & \\ c & \text{Tamanho } n/4 \rightarrow \text{Custo na ativação: } c \\ \vdots & \text{Tamanho } 1 \text{ (Caso Base)} \rightarrow \text{Custo: } c \end{array}$$

A árvore continua sendo dividida até encontrar o caso base onde há apenas um elemento ($n/2^h = 1$), o que significa que a profundidade da árvore é $h = \log_2 n$.

Como o custo em cada nível (que possui apenas um nó) é estritamente a constante c , e existem $\log_2 n + 1$ níveis, a soma total do tempo de execução é:

$$T(n) = \sum_{i=0}^{\log_2 n} c = c(\log_2 n + 1) = c \log_2 n + c$$

Ignorando as constantes aditivas e multiplicativas, provamos que a complexidade de tempo de execução deste algoritmo é $O(\log n)$.